

HOME ABOUT CONTENT OTHERS

PROJET GENONING

FAWAD ABDOUL WAHABI



HOME

ABOUT

CONTENT

OTHERS



PROGRÈS DANS LES

ANALYSES GÉNÉTIQUES

- Extraction automatisée
- Séquençage haut débit (NGS)
- Base de données informatique (type MALDI-TOF)
- Diagnostic (généticiens)
- Utilisation de l'IA

- Accélérer les analyses
- Fournir des diagnostics précis
- Répondre à la demande
- Suivre le progrès technologique



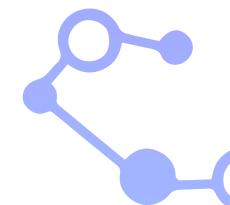
HOME

ABOUT

CONTENT

OTHERS

CONSTITUTION DE L'ÉQUIPE ET RÔLES ...



Chercheur Biologie moléculaire

Mener des recherches sur :

- Tissu/cellule pour extraction
- Protocole et automatisation (extraction, amplification, séquençage)
- Matériel nécessaire
- Infrastructures nécessaires
- Risques associés

Responsable de la base de données

Création et gestion de la base de données :

- Design
- Navigation
- Catégorisation
- Idée de fonctionnement

Généticien

Mener des recherches sur :

- Méthodes de diagnostic
- Types de maladies génétiques
- Groupes de maladies génétiques



SGENOMING COMPANY

HOME

ABOUT

CONTENT

OTHERS





- 2. Accurate Whole-Genome Sequencing and Haplotyping from 10 to 20 Human Cells, Peters, Brock A., et al. Nature, vol. 487, no 7406, 2012
- 3. Whole Genome Sequencing Diagnostic Yield for Paediatric Patients with Suspected Genetic Disorders: Systematic Review, Meta-Analysis, and GRADE Assessment, Nurchis, Mario Cesare, et al. Archives of Public Health, vol. 81, no 1, 2023

